

Voorstel wijziging VFR

Een fokcombinatie waarbij de stamboom van tenminste één ouderdier de merle kleur vermeldt, is verboden tenzij voorafgaand aan die kruising bij beide ouderdieren de lengte in basenparen van de SINE van het merle-gen is vastgesteld via DNA-onderzoek. De Langevin et al. schaal, hieronder afgebeeld, is uitgangspunt bij de beoordeling van de combinaties.

Met de resultaten dient te worden aangetoond dat er met die combinatie alleen safe en low risk combinaties ontstaan. Medium en high risk combinaties geven een verhoogd risico op auditieve en visuele beperkingen en zijn derhalve niet toegestaan.

Een uitzondering op het testen van beide ouderdieren is aan de orde indien een van de ouderdieren een van de volgende uitkomsten heeft: m/m, m/Mc of Mc/Mc. Een combinatie met een ouderdier met enige andere uitkomst kan immers niet leiden tot een medium of high risk combinatie.

List of merle combinations, with impairment risk

sorted by the shortest allele of the combination

m/m	safe
m/M ^c	safe
m/M ^{c+}	safe
m/M ^a	safe
m/M ^{a+}	safe
m/M	safe
m/M ^h	low risk

M ^c /M ^c	safe
M ^c /M ^{c+}	safe
M ^c /M ^a	safe
M ^c /M ^{a+}	safe
M ^c /M	safe
M ^c /M ^h	low risk

M ^{c+} /M ^{c+}	safe
M ^{c+} /M ^a	safe
M ^{c+} /M ^{a+}	low risk
M ^{c+} /M	low risk
M ^{c+} /M ^h	medium risk

M ^a /M ^a	safe
M ^a /M ^{a+}	medium risk
M ^a /M	medium risk
M ^a /M ^h	high risk

M ^{a+} /M ^{a+}	medium risk*
M ^{a+} /M	high risk
M ^{a+} /M ^h	high risk

M/M	high risk
-----	-----------

Alleles and their base pair numbers

The scale used here is based on results by Tilia Laboratories. Different laboratories may require a slightly different bp scale.

m	-	non-merle
M ^c	200-230	cryptic merle
M ^{c+}	231-246	cryptic merle plus
M ^a	247-254	atypical merle
M ^{a+}	255-264	atypical merle plus
M	265-268	merle ("classic/standard merle")
M ^h	269+	harlequin merle

Risk scale

safe: no pigment deleted to white, no impairments

low risk: some impairment may occur, mainly auditory

medium risk: can have vision and/or hearing impairments

high risk: vision and hearing impairments are common

Safe combinations

Combinations with alleles of higher than the stated bp number may result in impairments (in some cases, the risk is very low).

m (non-merle): safe to combine with up to **268 bp (M)**.

M^c (200-230 bp): safe to combine with up to **268 bp (M)**.

M^{c+} (231-246 bp): safe to combine with up to **254 bp (M^a)**.

M^a (247-254 bp): safe to combine with up to **254 bp (M^a)**.

M^{a+} (255-264 bp): safe to combine with up to **230 bp (M^c)**.

M (265-268 bp): safe to combine with up to **230 bp (M^c)**.

M^h (269+ bp) has some risk for impairment in all combinations; the likelihood and severity depend on the other allele.

* Base pairs determine the amount of risk

the higher the bp of the M^{a+} allele, the higher the risk.